

# Frasergen

PACBIO CERTIFIED SERVICE PROVIDER

## NGS真核 普通转录组测序

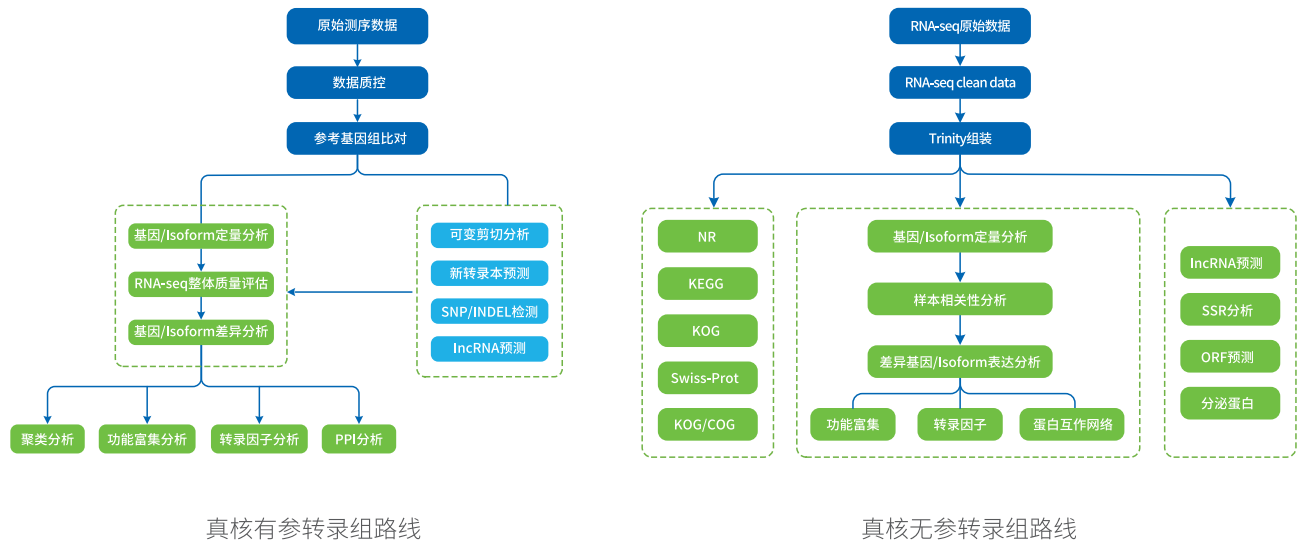
获得基因和转录本的定性和定量信息是研究细胞生理分子机制的关键。真核有参转录组测序采用NGS测序技术，对真核生物特定组织或细胞在某个特定状态下转录的所有mRNA进行测序，与参考基因组比对，既可全面快速分析mRNA序列和丰度信息、又可对基因结构和产生的新转录本进行分析。真核无参转录组测序，对真核生物特定组织或细胞在某个特定状态下转录的所有RNA进行测序，拼接出最长的转录本为unigene，以unigene为参考序列进行后续分析。



### 技术参数

样本要求	测序策略	交付周期
物种：真核生物 样本类型：RNA/组织 样品要求：≥2μg/次建库(RNA)、 ≥1g(组织)、RIN值≥7.0	文库大小：250-300bp 测序策略：PE150 测序量：4 Gb（真菌）、 6Gb、8Gb、12Gb等	30个自然日(标准分析) 个性化：根据实际分析 内容确定

## 技术路线



## 项目文章

物种	时间	期刊	研究内容
辣椒	2019	BMC Plant Biology	转录组分析确定与辣椒FFN相关的基因
小麦 (六倍体)	2019	Plant and Cell Physiology	油菜素类固醇调控根系直径和侧根发育的机制
梨	2020	Plant Science	发现梨属植物韧皮部响应干旱胁迫的可移动mRNA PbDRM, 揭示嫁接梨响应干旱胁迫的应答机制
小麦	2020	Plant Science	硼通过干扰转运体基因的表达抑制小麦对镉的摄取
苜蓿	2020	BMC Plant Biology	MsTMT的超量表达可显著提高转基因苜蓿的耐旱性
桂花	2021	Horticultural Plant Journal	胁迫条件下桂花类胡萝卜素代谢相关的潜在转录因子
辣椒	2021	PLOS One	黄单胞菌侵染辣椒的抗病基因和途径

**武汉菲沙基因信息有限公司**  
Wuhan Frasergen Bioinformatics Co., Ltd.  
武汉市东湖高新技术开发区高新大道666号 邮编:430075

**武汉菲沙基因组医学有限公司**  
Wuhan Frasergen Genomic Medicine Co., Ltd.  
武汉市东湖高新技术开发区高新大道666号B8栋 邮编:430075

**嘉兴菲沙基因信息有限公司**  
Jiaxing Frasergen Bioinformatics Co., Ltd.  
嘉兴市嘉善县大云镇创业路555号C2栋 邮编:314100

**北京研发中心**  
Beijing Research Center  
北京市海淀区中关村南大街12号科技综合楼 邮编:100081



[www.frasergen.com](http://www.frasergen.com)